

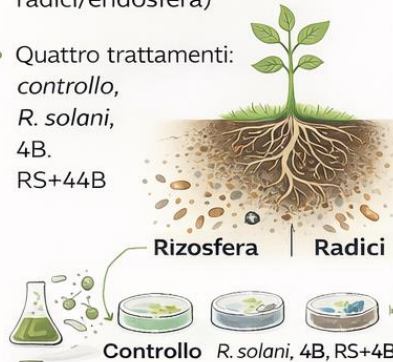


Diversi primer, risposte microbiche differenti

I diversi set di primer catturano risposte microbiche differenti tra rizosfera e compartimenti radicali, influenzando l'interpretazione degli effetti dei trattamenti?

Background

- Sistema pianta–suolo con due compartimenti (rizosfera e radici/endosfera)
- Quattro trattamenti: controllo, *R. solani*, 4B, RS+44B



- Sequenziamento amplicon mirato di batteri (16S) e funghi (ITS)
- Analisi della struttura di comunità e abbondanza tassonomica

Take-home: la scelta dei primer condiziona fortemente i pattern batterici rilevati ►►

Methods

- Sistema pianta–suolo con due compartimenti (rizosfera e radici/endosfera)
- Quattro trattamenti: controllo, *R. solani*, 4B, RS+44B.
- Sequenziamento amplicon mirato di batteri (16S) e funghi (ITS).
- Quattro set di primer: 16S V3–V4, 16S V5–V7, ITS2, ITS1–1F



Key results

- ↑ I batteri mostrano cambiamenti strutturali significativi in rizosfera e radici.
- ≈ Le comunità fungine risultano complessivamente **stabili** tra i trattamenti.
- ↑ Il gruppo dei rizobi è arricchito con il consorzio, soprattutto nelle radici.

Take-home: la scelta dei primer condiziona fortemente i pattern batterici rilevati ►►►

